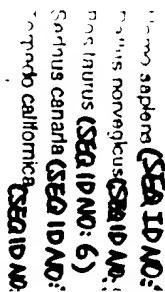


(SEA ID No: 3)



	10	20	30	
1	M D V F M K G L S K A K E G V V A A A E K T K Q G V A E A A G K T - - - - -	K E G V L Y	14 mm sapiens	
1	M D V F M K G L S K A K E G V V A A A E K T - - - - -	K E G V L Y	14 mm norvegicus	
1	M D V F M K G L S M A K E G V V A A A E K T K Q G V T E A A E K T - - - - -	K E G V L Y	14 mm thomasi	
1	M D V F M K G L S K A K E G V V A A A E K T K Q G V A E A A G K T - - - - -	K E G V L Y	14 mm canalis	
1	M D V L K K G G S F A K E G V V A A A E K T K Q G V Q D A A E K T K E G V M Y	14 mm californica		

	40	50	60	70	80	
40	1					
40	V G S K T K E G V V H G V A T T V A E K T K E Q V T N V G G A V V T G E V T A V A Q K T V E G A G S I A					<i>Uta stansburiana</i>
40	V G S K T K E G V V H G V T T V A E K T K E Q V T N V G G A V V T G V T A V A Q K T V E G A G N I A					<i>Uta stansburiana</i>
40	V G S K T K E G V V Q G V A S V A E K T K E Q A S H L G G A V P S G A G - - - - - N I A					<i>Uta stansburiana</i>
40	V G S R T K E G V V H G V T T V A E K T K E Q V S N V G G A V V T G V T A V A Q K T V E G A G N I A					<i>Uta stansburiana</i>
51	V G T K T K E G V V O S V N T V T E K T K E Q A N V V G G A V V A G V N T V A S K T V E G V E N V A					<i>Uta stansburiana</i>

	00	100	110	120	
90	AATGFEVKKDQLGK-N--EEGAPQ--EGI--LED--MPVDPDNEAYEMP S				" <i>Nemo sapientis</i> "
90	AATGFVKKKDQMKG-G--EEGY PQ--EGI--LED--MPVDPSSEAYEMP S				" <i>Natus norvegicus</i> "
79	AATGLVKKEEFP T-DLKPEEVAQ--EAAEPLIE--PLMEPEGESYEEQP				" <i>Nes laurus</i> "
90	AATGLVKKDQLAKQN--EEGFLQ--EGM--VNNTGA AVDP DNEAYEMP P				" <i>Gordius canada</i> "
101	AASGVVKLDEHGR-EIPAEQVAEGKQTQEPLVR--ATEATE--				" <i>Somato californica</i> "

130	-	140
130	E E G Y Q D Y E P E A	-
130	B E G Y Q D Y E P E A	
124	Q E E Y Q E Y E P E A	
133	E E E Y Q D Y E P E A	
140	- - - - - E T G K	

Figure 11

alpha-SYN exons 1-2 (SEQ ID NO: 14)

```

      10      20      30      40
AATTTTCAGCGATGCGAGGGCAAAGCGCTCTCGGCGGTGCG 40
GTGTGAGCCACCTCCCGGCGCTGCCTGTCTCCTCCAGCAG 80
CTCCCCAAGGGATAGGCTCTGCCCTTGGTGGTCGACCCCTC 120
AGGCCCTCGNTCTCCAGGNCGACTCTGACGAGGGGTAGG 160
GGGTGGTCCCCNGGAGGACCCAGAGGAAAGGCNGGGACAA 200

      210      220      230      240
GAAGGGAGGGGAAGGGGAAGAGGAAGAGGCATCATCCCT 240
AGCCCAACCGCTCCCGATCTCCACAAGAGTGCTCGTGACC 280
CTAAACTTAACGTGAGGCGCAAAAGCGCCCAACCTTTTC 320
CCGCCCTTGNCCAGGCAGGCGGCTGGAGTTGATGGCTCAC 360
CCCGCGCCCCCTGCCCATCCCCATCCGAGATAGGGACGA 400

      410      420      430      440
GGAGCACGCTGCAGGGAAAGCAGCGAGCGCCGGGAGAGGG 440
GCGGGCAGAAGCGCTGACAAATCAGCGGTGGGGGCGGAGA 480
GCCGAGGAGAAGGAGAAGGAGGAGGACTAGGAGGAGGAGG 520
ACGGCGACGACCAGAAGGGGGCCCAAGAGAGGGGGCGAGCG 560
ACCGAGCGCCGCGACGCGAAGTGAGGTGCGTGGGGCTCA 600

      610      620      630      640
GCGCAGACCCCGGCCCGGCCCTCCTGAGAGCGTCCTGGG 640
CGCTCCCTCACGCCCTTGCCCTTCAAGCCTTCTGCCTTTCCA 680
CCCTCGTGAGCGGAGAACTGGGAGTGGCCATTGACGACA 720
GGTTAGCGGGTTTGCCCTCCCACTCCCCAGCCTCGCGTCG 760
CCGGCTCACAGCGGCCCTCCTCTGGGGACAGTCCCCCCCCGG 800

      810      820      830      840
GTGCCCCCTCCGCCCTTCTGTGCGCTCCTTTTCCTTCTTC 840
TTTCTATTAAATATTATTTGGGAATTGTTTAAATTTTTT 880
TTTTAAAAAAGAGAGAGGGCGNGGAGGAGTGGAGTTGTG 920
GAGAAGCAGAGGGACTCAGGTAAGTACCTGTGGATCTAAA 960
CGGNGTCTTTGGAAATCCTGGAGAACGCCGGATGGAGAC 1000

      1010      1020      1030      1040
GAATGGTCGTGGGNACCGGGAGGGGGTGGTGCTGCCATGA 1040
GGACCGCTGGGCCAGGTCTCTGGGAGGTGAGTACTTGTCC 1080
TTTGGGGAGCCTAAGGAAAGAGACTTGACCTGGCTTTTCGT 1120
CCTGCTTCTGATATTCCCTTCTCCACAAGGGCTGAGAGNT 1160
TAGGCTGCTTCTCCGGGATCC 1181

```

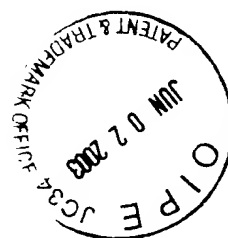


Figure 11 cont.

alpha-SYN exon 3 (SEQ ID NO: 15)

```

      10      20      30      40
+-----+
CTTAAAAGAGTCTCACACTTTGGAGGGTTTCTCATGATT 40
TTCAGTGTTTTTGTATTTTCCCCGAAAGTTCTCATT 80
CAAAGTGATTTTATGTTCAGTGTGGTGTAAGAAAT 120
TCATTAGCCATGGATGTATTCATGAAAGGACTTTCAAAG 160
CCAAGGAGGGAGTTGTGGCTGCTGCTGAGAAAACCAAACA 200
      210      220      230      240
+-----+
GGGTGTGGCAGAAGCAGCAGGAAAGACAAAAGAGGGTGTT 240
CTCTATGTAGGTAGGTAAACCCCAAATGTCAGTTTGGTGC 280
TTGTTTCATGAGTGATGGGTTAGGATAACAATACTCTAAAT 320
GCTGGTAGTTCTCTCTTTGATTCATTTTGCATCATTGC 360
TTGTCAAAAAGGTGGACTGAGTCAGAGGTATGTGTAGGTA 400
      410      420      430      440
+-----+
GGTGAATGTGAACGTGTGTATNTGAGCTAATAGTAAAAAT 440
GCGACTGTTTGCTTTTCAGATTTTAAATTTGCCTAATAT 480
NTATGACTTNTTAAAATGAATGTTTCTGTACTACATAATT 520
CTATNTCAGAGACAGT 536

```



Figure 11 cont.

alpha-SYN exon 4 (SEQ ID NO:16)

```

      10      20      30      40
CTGCAGGTCAACGGATCTGTCCTAGTGCTGTACTTTTAA 40
AGCTTCTACAGTTCTGAATTCAAAATTATCTTCTCACTGG 80
GCCCCGGTGTTATCTCATTCTTTTTTCTCCTCTGTAAGTT 120
GACATGTGATGTGGGAACAAAGGGGATAAAGTCATTATTT 160
TGTGCTAAAATCGTAATTGGAGAGGACCTCCTGTTAGCTG 200
      210      220      230      240
GGCTTTCTTCTATNTATTGTGGTGGTTAGGAGTTCCTTCT 240
TCTAGTTTTAGGATATATATATATATTTTTTCTTTCCCT 280
GAAGATATAATAATATATATACTTCTGAAGATTGAGATTT 320
TTAAATTAGTTGTATTGAAACTAGCTAATCAGCAATTTA 360
AGGCTAGCTTGAGACTTATGTCTTGAATTTGTTTTTGTAG 400
      410      420      430      440
GCTCCAAAACCAAGGAGGGGAGTGGTGCATGGTGTGGCAAC 440
AGGTAAGCTCCATTGTGCTTATATCAAAGATGATATNTAA 480
AGTATCTAGTGATTAGTGTGGCCCAAGTATCAAGATTCCTA 520
TGAAATTGTAAAACAATCACTGAGCATCTAAGAACATATC 560
AGTCTTATTGAAACTGAATTCCTTATAAAGTATTTTTTAAA 600
      610      620      630      640
TAGGTAAATATTGATTATAAATAAAAAATATACTTGCCAA 640
GAATAATGAG 650

```



Figure 11 cont.

alpha-SYN exon 5 (SEQ ID NO: 17)

```

      10      20      30      40
      |      |      |      |
ATATCTTAGCCAAGATTCAATGTTTGGTTGAACCACTC 40
ACTTGACATCTTGGTGGCTTTTGTCTCTTGACCACTCA 80
GTTATCTATGGCATGTGTAGATACAGGTGTATGGAANCGA 120
TGGCTAGTGGAAGTGAATGATTTTAAGTCACTGTTATTC 160
TACCACCCTTTAATCTGTTGTTGCTCTTTATTTGTACCAG 200

      210      220      230      240
      |      |      |      |
TGGCTGAGAAGACCAAAGAGCAAGTGACAAATGTTGGAGG 240
AGCAGTGGTGACGGGTGTGACAGCAGTAGCCCAGAAGACA 280
GTGGAGGGAGCAGGGAGCATTGCAGCAGCCACTGGCTTTG 320
TCAAAAAGGACCAGTTGGGCAAGGTATGGCTGTGTACGTT 360
TTGTGTTACATTTATAAGCTGGTGAGATTACGGTTCATTT 400

      410      420      430      440
      |      |      |      |
TCATGTGAAGCCTGGAGGCAGGAGCAAGATACTTACTGTG 440
GGGAACGGCTACCTGACCCTCCCCTTGTGAAAAAGTGCTA 480
CCTTTATATTGGTCTTGCTTGTTT 504

```



alpha-SYN exon 6 (SEQ ID NO: 18)

10 20 30 40

AAAAGTTTACATACTTTGAGGTTGATAACCCATGTTGCCG 40
CAATGTTTCCCCGGAGGCATTGTGGAGTTTAGAATGCCAG 80
TAGTAATATTAAGGTGTGCCATTTTCAAGATCCGTGGCCA 120
ACATCCCTATATGTAAGATTTTCCAAAACATGGTTCTGA 160
TTTTTAAAAGTGAAAAATGCTACTTCATCATGTTCTTTT 200

210 220 230 240

GTGCTTCTTACTTTAAATATTAGAATGAAGAAGGAGCCCC 240
ACAGGAAGGAATTCTGGAAGATATGCCTGTGGATCCTGAC 280
AATGAGGCTTATGAAATGCCTTCTGAGGTAGGAGTCCAAG 320
CTGAATCTTTCTAACAAGACAGTACCAAAAACCTGTCATT 360
GTCACATTTCTCTTTTCATTAGTGCTTAGTGAGAATCATT 400

410 420 430 440

GCTCTCTACATGCTCATTACGTGGACAACCTTGCAAGTTAA 440
GAATAGTTTTTACATTTTTTAAAGGTCCTTAAAAAAAAAAG 480
AGGAGGAGGAAGATGAAGAAGAGGAAGAAAGGATGTAAAA 520
GAAATCATATGTAGTCCACATAGCTTAATATACNTACTAC 560
TTGACCCTTTACAGGAAAAGCTTTACTAACCCCTGCATTA 600

610 620 630 640

GAGAATATATTTTTTTGCAAAAACATTGATTGTAAATTTT 640
AGTGTAAGTGGGGAGCCATTTCTATCTCATTTGGCTGTC 680
CAGTGCTGATGCGTAATTGAACTTATACTAACAGTGTGT 720
GCTGTCT 727



10 20 30 40
TTTTGATTTTTCTAATATTAGGAAGGGTATCAAGACTACG 40
AACCTGAAGCCTAAGAAATATCTTTGCTCCCAGTTTCTTG 80
AGATCTGCTGACAGATGTTCCATCCGTACAAGTGCTCAG 120
TTCTAATGTGCTCAGTATGATTTTCTAAAGTTTCTAA 160
ACTGATCTGGAAGTCTCCATCAGCACTGATTGAAGCAT 200
210 220 230 240
CTGTACCTGCCCCCACTCAGCATTTCGGTGCTTCCCTTTC 240
ACTGAAGTGAATACATGGTAGCAGGGTCTTTGTGTGCTGT 280
GGATTTTGTGGCTTCAATCTACGATGTTAAAACAAATTAA 320
AAACACCTAAGTGACTACCACTTATTTCTAAATCCTCACT 360
ATTTTTTGTGTGCTGTTGTTTCAGAAGTTGTTAGTGATTG 400
410 420 430 440
CTATCATATATTATNAGATTTTTAGGTGTCTTTTAATGAT 440
ACTGTCTAAGAATAATGACGTATTGTGAAATTTGTTAATA 480
TATATNATACTTAAAAATATGTGAGCATGAACTATGCAC 520
CTATAACTATAAATATGAAATTTTACCATTTTGCGATGTG 560
TTTTATTCACTTGTGTTTGTATATNAATGGTGAGAATTAA 600
610 620 630 640
AATAAAACGTTATCTCATTGCAAAAATATTTTATTTTAT 640
CCCATCTCACTTTAATAATAAAAATCATGCTTATAAGCAA 680
CATGAATTAAGAACTGACACAAAGGACAAAAATATAAAGT 720
TATTAATAGCCATTTGAAGAAGGAGGAATTTTAGAAGAGG 760
TAGAGAAAATGGAACATTAACCCTACACTCGGAATTCCT 800
810 820 830 840
GAAGCAACACTGCCAGAAGTGTGTTTTGGTATGCACTGGT 840
TCCTTAAGTGGCTGTGATTAATTATTGAAAGTGGGGTGT 880
GAAGACCCCACTACTATTGTAGAGTGGTCTATTTCTCCC 920
TTCAATCCTGTCAATGTTTGCTTTACGTATTTGGGGAAC 960
TGTGTTTGATGTGTATGTGTTTATAATTGTTATACATTT 1000
1010 1020 1030 1040
TTAATTGAGCCTTTTATTAACATATATTGTTATTTTGTG 1040
TCGAAATAATTTTTTAGTTAAAATCTATTTGTCTGATAT 1080
TGGTGTGAATGCTGTACCTTTCTGACAATAAATAATATNC 1120
GACCATGAATAAAAAAAAAAAAAAAGTGGGTCCCCGGGAA 1160
CTAAGCAGTGTAGAAGATGATTTTGACTACACCCTCCTTA 1200



Figure 11 cont.

alpha-SYN exon 7

1210 1220 1230 1240
GAGAGCCATAAGACACATTAGCACATATTAGCACATTCAA 1240
GGCTCTGAGAGAATGTGGTTAACTTTGTTTAACTCAGCAT 1280
TCCTCACTTTTTTTTTTAAATCATCAGAAATTCTCTCTCT 1320
CTCTCTCTTTTTCTCTCGCTCTCTTTTTTTTTTTTTTTT 1360
TTTTACAGGAAATGCCTTTAAACATCGTTGGGAACCTACCA 1400
1410 1420 1430 1440
GAGTCACCTTAAAGGGGAGNATCAATTCTCTAGGACTGGAT 1440
AAAAATTTTCATGGGCCTCCTTTAAAATGTTGCCCAAATAT 1480
ATGGAATTCTAGGGGTTTTTCCNTAGGGGGAAGGGTTTTT 1520
TCTCTTTTCNGGGGAGGATCCTTTTAACNCCCCNGGGGGG 1560
NGCCCGGAAAATAAACTTGGNGGGGGGGNAAAACCTT 1596



Figure 1 (SEQ ID NO: 1)

3 (SEQ ID NO: 2)

gctaatacagcaatttaaggctagcttgagacttatgtcttggaatttggtttlltgtaggcTCCAAAAACCAAGGAGGAGTGGTGCATGGTGTGCAACACAGataagctccattg
 Tsp45 I
 Gly Ser Lys Thr Lys Glu Val His Gly Val Thr
 tgccttatcaagatgatatntaaagtatctagtgattagtgtagcccgatcaagattccctatgaatttgttaaaccaatcaactgagcattctangnacatatac
 13

(SEQ ID NO: 3)

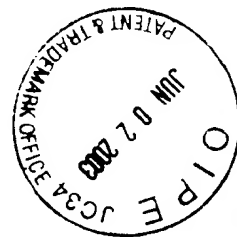


Figure 4

1	MDVFMKGLSKAK	10	MDVFMKGLSKAK	20	MDVFMKGLSKAK	30	MDVFMKGLSKAK	40	MDVFMKGLSKAK	50	MDVFMKGLSKAK	60	MDVFMKGLSKAK	70	MDVFMKGLSKAK	80	MDVFMKGLSKAK	Homo sapiens
1	MDVFMKGLSKAK	10	MDVFMKGLSKAK	20	MDVFMKGLSKAK	30	MDVFMKGLSKAK	40	MDVFMKGLSKAK	50	MDVFMKGLSKAK	60	MDVFMKGLSKAK	70	MDVFMKGLSKAK	80	MDVFMKGLSKAK	Rattus norvegicus
1	MDVFMKGLSKAK	10	MDVFMKGLSKAK	20	MDVFMKGLSKAK	30	MDVFMKGLSKAK	40	MDVFMKGLSKAK	50	MDVFMKGLSKAK	60	MDVFMKGLSKAK	70	MDVFMKGLSKAK	80	MDVFMKGLSKAK	Ros laurus
1	MDVFMKGLSKAK	10	MDVFMKGLSKAK	20	MDVFMKGLSKAK	30	MDVFMKGLSKAK	40	MDVFMKGLSKAK	50	MDVFMKGLSKAK	60	MDVFMKGLSKAK	70	MDVFMKGLSKAK	80	MDVFMKGLSKAK	Serinus canaria
1	MDVFMKGLSKAK	10	MDVFMKGLSKAK	20	MDVFMKGLSKAK	30	MDVFMKGLSKAK	40	MDVFMKGLSKAK	50	MDVFMKGLSKAK	60	MDVFMKGLSKAK	70	MDVFMKGLSKAK	80	MDVFMKGLSKAK	Torpedo californica
40	VGSKTKEGVVHG	50	VGSKTKEGVVHG	60	VGSKTKEGVVHG	70	VGSKTKEGVVHG	80	VGSKTKEGVVHG	90	VGSKTKEGVVHG	100	VGSKTKEGVVHG	110	VGSKTKEGVVHG	120	VGSKTKEGVVHG	Homo sapiens
40	VGSKTKEGVVHG	50	VGSKTKEGVVHG	60	VGSKTKEGVVHG	70	VGSKTKEGVVHG	80	VGSKTKEGVVHG	90	VGSKTKEGVVHG	100	VGSKTKEGVVHG	110	VGSKTKEGVVHG	120	VGSKTKEGVVHG	Rattus norvegicus
40	VGSKTKEGVVHG	50	VGSKTKEGVVHG	60	VGSKTKEGVVHG	70	VGSKTKEGVVHG	80	VGSKTKEGVVHG	90	VGSKTKEGVVHG	100	VGSKTKEGVVHG	110	VGSKTKEGVVHG	120	VGSKTKEGVVHG	Ros laurus
40	VGSKTKEGVVHG	50	VGSKTKEGVVHG	60	VGSKTKEGVVHG	70	VGSKTKEGVVHG	80	VGSKTKEGVVHG	90	VGSKTKEGVVHG	100	VGSKTKEGVVHG	110	VGSKTKEGVVHG	120	VGSKTKEGVVHG	Serinus canaria
51	VGSKTKEGVVHG	50	VGSKTKEGVVHG	60	VGSKTKEGVVHG	70	VGSKTKEGVVHG	80	VGSKTKEGVVHG	90	VGSKTKEGVVHG	100	VGSKTKEGVVHG	110	VGSKTKEGVVHG	120	VGSKTKEGVVHG	Torpedo californica
80	AATGTFVKKDQL	90	AATGTFVKKDQL	100	AATGTFVKKDQL	110	AATGTFVKKDQL	120	AATGTFVKKDQL	130	AATGTFVKKDQL	140	AATGTFVKKDQL	150	AATGTFVKKDQL	160	AATGTFVKKDQL	Homo sapiens
90	AATGTFVKKDQL	90	AATGTFVKKDQL	100	AATGTFVKKDQL	110	AATGTFVKKDQL	120	AATGTFVKKDQL	130	AATGTFVKKDQL	140	AATGTFVKKDQL	150	AATGTFVKKDQL	160	AATGTFVKKDQL	Rattus norvegicus
79	AATGTFVKKDQL	90	AATGTFVKKDQL	100	AATGTFVKKDQL	110	AATGTFVKKDQL	120	AATGTFVKKDQL	130	AATGTFVKKDQL	140	AATGTFVKKDQL	150	AATGTFVKKDQL	160	AATGTFVKKDQL	Ros laurus
90	AATGTFVKKDQL	90	AATGTFVKKDQL	100	AATGTFVKKDQL	110	AATGTFVKKDQL	120	AATGTFVKKDQL	130	AATGTFVKKDQL	140	AATGTFVKKDQL	150	AATGTFVKKDQL	160	AATGTFVKKDQL	Serinus canaria
101	AATGTFVKKDQL	90	AATGTFVKKDQL	100	AATGTFVKKDQL	110	AATGTFVKKDQL	120	AATGTFVKKDQL	130	AATGTFVKKDQL	140	AATGTFVKKDQL	150	AATGTFVKKDQL	160	AATGTFVKKDQL	Torpedo californica
130	EEGYQDYEP	140	EEGYQDYEP	150	EEGYQDYEP	160	EEGYQDYEP	170	EEGYQDYEP	180	EEGYQDYEP	190	EEGYQDYEP	200	EEGYQDYEP	210	EEGYQDYEP	Homo sapiens
130	EEGYQDYEP	140	EEGYQDYEP	150	EEGYQDYEP	160	EEGYQDYEP	170	EEGYQDYEP	180	EEGYQDYEP	190	EEGYQDYEP	200	EEGYQDYEP	210	EEGYQDYEP	Rattus norvegicus
124	QEEYQDYEP	140	QEEYQDYEP	150	QEEYQDYEP	160	QEEYQDYEP	170	QEEYQDYEP	180	QEEYQDYEP	190	QEEYQDYEP	200	QEEYQDYEP	210	QEEYQDYEP	Ros laurus
133	EEGYQDYEP	140	EEGYQDYEP	150	EEGYQDYEP	160	EEGYQDYEP	170	EEGYQDYEP	180	EEGYQDYEP	190	EEGYQDYEP	200	EEGYQDYEP	210	EEGYQDYEP	Serinus canaria
140	EEGYQDYEP	140	EEGYQDYEP	150	EEGYQDYEP	160	EEGYQDYEP	170	EEGYQDYEP	180	EEGYQDYEP	190	EEGYQDYEP	200	EEGYQDYEP	210	EEGYQDYEP	Torpedo californica

Homo sapiens (SEQ ID NO: 4)
Rattus norvegicus (SEQ ID NO: 5)
Ros laurus (SEQ ID NO: 6)
Serinus canaria (SEQ ID NO: 7)
Torpedo californica (SEQ ID NO: 8)

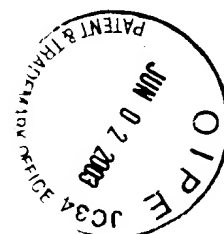


Figure 11

alpha-SYN exons 1-2 (SEQ ID NO: 14)

```

      10      20      30      40
      |      |      |      |
AATTT CAGCG ATGCG AGGGCAA AGCGCTCTCGGCGGTGCG 40
GTGTG AGCCACCTCCCGGCGCTGCCTGTCTCCTCCAGCAG 80
CTCCCCAAGGGATAGGCTCTGCCCTTGGTGGTTCGACCCTC 120
AGGCCCTCGNTCTCCCAGGNCGACTCTGACGAGGGGTAGG 160
GGGTGGTCCCCNGGAGGACCCAGAGGAAAGGCNNGGACAA 200

      210      220      230      240
      |      |      |      |
GAAGGGAGGGGAAGGGGAAAGAGGAAGAGGCATCATCCCT 240
AGCCCAACCGCTCCCGATCTCCACAAGAGTGCTCGTGACC 280
CTAAACTTAACGTGAGGCGCAAAAGCGCCCCAACCTTTTC 320
CCGCCCTTGNCCAGGCAGGCGGCTGGAGTTGATGGCTCAC 360
CCCGCGCCCCCTGCCCATCCCCATCCGAGATAGGGACGA 400

      410      420      430      440
      |      |      |      |
GGAGCACGCTGCAGGGAAAGCAGCGAGCGCCGGGAGAGGG 440
GCGGGCAGAAGCGCTGACAAATCAGCGGTGGGGGCGGAGA 480
GCCGAGGAGAAGGAGAAGGAGGAGGACTAGGAGGAGGAGG 520
ACGGCGACGACCAGAAGGGGCCCCAAGAGAGGGGGCGAGCG 560
ACCGAGCGCCGCGACGCGAAGTGAGGTGCGTGCGGGCTCA 600

      610      620      630      640
      |      |      |      |
GCGCAGACCCCGGCCCGGCCCTCCTGAGAGCGTCTGGG 640
CGCTCCCTCACGCCTTGCTTCAAGCCTTCTGCCTTTCCA 680
CCCTCGTGAGCGGAGAACTGGGAGTGGCCATTGACGACA 720
GGTTAGCGGGTTTGCTCCCACTCCCCAGCCTCGCGTCG 760
CCGGCTCACAGCGGCCTCCTCTGGGGACAGTCCCCCCCCG 800

      810      820      830      840
      |      |      |      |
GTGCCCCCTCGCCCTTCTGTGCGCTCCTTTTCTTCTTC 840
TTTCTATTAAATATTATTTGGGAATTGTTTAAATTTTT 880
TTTTAAAAAAGAGAGAGGCGNGGAGGAGTCGGAGTTGTG 920
GAGAAGCAGAGGGACTCAGGTAAGTACCTGTGGATCTAAA 960
CGGNGTCTTTGGAAATCCTGGAGAACGCCGGATGGAGAC 1000

      1010      1020      1030      1040
      |      |      |      |
GAATGGTCGTGGGNACCGGGAGGGGGTGGTGCTGCCATGA 1040
GGACCGCTGGGCCAGGTCTCTGGGAGGTGAGTACTTGTCC 1080
TTTGGGGAGCCTAAGGAAAGAGACTTGACCTGGCTTTTCT 1120
CCTGCTTCTGATATTCCTTCTCCACAAGGGCTGAGAGNT 1160
TAGGCTGCTTCTCCGGGATCC 1181

```

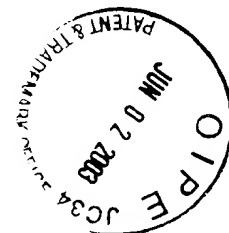


Figure 11 cont.

alpha-SYN exon 3 (SEQ ID NO: 15)

```
      10      20      30      40
+-----+
CTTAAAAGAGTCTCACACTTTGGAGGGTTTCTCATGATT 40
TTCAGTGTTTTTGTATTTTTCCCGAAAGTTCTCATT 80
CAAAGTGATTTTATGTTTTCCAGTGTTGGTGTAAGAAAT 120
TCATTAGCCATGGATGTATTCATGAAAGGACTTTCAAAGG 160
CCAAGGAGGGAGTTGTGGCTGCTGCTGAGAAAACCAAACA 200
      210      220      230      240
+-----+
GGGTGTGGCAGAAGCAGCAGGAAAGACAAAAGAGGGTGTT 240
CTCTATGTAGGTAGGTAAACCCCAAATGTCAGTTTGGTGC 280
TTGTTTCATGAGTGATGGGTTAGGATAACAATACTCTAAAT 320
GCTGGTAGTTCTCTCTCTTGATTCATTTTGCATCATTGC 360
TTGTCAAAAAGGTGGACTGAGTCAGAGGTATGTGTAGGTA 400
      410      420      430      440
+-----+
GGTGAATGTGAACGTGTGTATNTGAGCTAATAGTAAAAAT 440
GCGACTGTTTGCTTTTCAGATTTTAAATTTGCCTAATAT 480
NTATGACTTNTTAAAATGAATGTTTCTGTACTACATAATT 520
CTATNTCAGAGACAGT 536
```

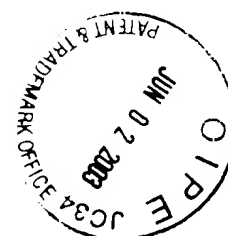


Figure 11 cont.

alpha-SYN exon 4 (SEQ ID NO:16)

```

      10      20      30      40
      |      |      |      |
CTGCAGGTCAACGGATCTGTCCTAGTGCTGTACTTTTAA 40
AGCTTCTACAGTTCTGAATTCAAATTATCTTCTCACTGG 80
GCCCCGGTGTTATCTCATTCTTTTTCTCCTCTGTAAGTT 120
GACATGTGATGTGGGAACAAAGGGGATAAAGTCATTATTT 160
TGTGCTAAAATCGTAATTGGAGAGGACCTCCTGTTAGCTG 200

      210     220     230     240
      |      |      |      |
GGCTTTTCTTCTATNTATTGTGGTGGTTAGGAGTTCCTTCT 240
TCTAGTTTTAGGATATATATATATATTTTTTCTTTCCCT 280
GAAGATATAATAATATATATACTTCTGAAGATTGAGATTT 320
TTAAATTAGTTGTATTGAAAAGTAGCTAATCAGCAATTTA 360
AGGCTAGCTTGAGACTTATGTCTTGAATTTGTTTTTGTAG 400

      410     420     430     440
      |      |      |      |
GCTCCAAAACCAAGGAGGGAGTGGTGCATGGTGTGGCAAC 440
AGGTAAGCTCCATTGTGCTTATATCAAAGATGATATNTAA 480
AGTATCTAGTGATTAGTGTGGCCAGTATCAAGATTCCTA 520
TGAAATTGTAAAACAATCACTGAGCATCTAAGAACATATC 560
AGTCTTATTGAAACTGAATTCCTTATAAAGTATTTTTTAA 600

      610     620     630     640
      |      |      |      |
TAGGTAAATATTGATTATAAATAAAAAATATACTTGCCAA 640
GAATAATGAG 650

```

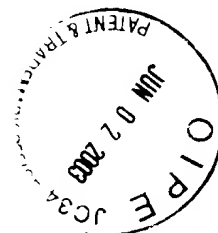


Figure 11 cont.

alpha-SYN exon 5 (SEQ ID NO: 17)

```

      10      20      30      40
      |      |      |      |
ATATCTTAGCCAAGATTCAATGTTTGGTTGAACCACACTC 40
ACTTGACATCTTGGTGGCTTTTGTTCCTTCTGACCACTCA 80
GTTATCTATGGCATGTGTAGATACAGGTGTATGGAANCGA 120
TGGCTAGTGGAAGTGAATGATTTTAAGTCACTGTTATTC 160
TACCACCCTTTAATCTGTTGTTGCTCTTTATTTGTACCAG 200
      210      220      230      240
      |      |      |      |
TGGCTGAGAAGACCAAAGAGCAAGTGACAAATGTTGGAGG 240
AGCAGTGGTGACGGGTGTGACAGCAGTAGCCCAGAAGACA 280
GTGGAGGGAGCAGGGAGCATTGCAGCAGCCACTGGCTTTG 320
TCAAAAAGGACCAGTTGGGCAAGGTATGGCTGTGTACGTT 360
TTGTGTTACATTTATAAGCTGGTGAGATTACGGTTCATTT 400
      410      420      430      440
      |      |      |      |
TCATGTGAAGCCTGGAGGCAGGAGCAAGATACTTACTGTG 440
GGGAACGGCTACCTGACCCTCCCCTTGTGAAAAAGTGCTA 480
CCTTTATATTGGTCTTGCTTGTTT 504

```



alpha-SYN exon 6 (SEQ ID NO: 18)

10 20 30 40

AAAAGTTTACATACTTTGAGGTTGATAACCCATGTTGCCG 40
CAATGTTTCCCCGGAGGCATTGTGGAGTTTAGAATGCCAG 80
TAGTAATATTAAGGTGTGCCATTTTCAAGATCCGTGGCCA 120
ACATCCCTATATGTAAGATTTTTTCCAAAACATGGTCTGA 160
TTTTTAAAAGTGAAAAATGCTACTTCATCATGTTCTTTT 200

210 220 230 240

GTGCTTCTTACTTTAAATATTAGAATGAAGAAGGAGCCCC 240
ACAGGAAGGAATTCTGGAAGATATGCCTGTGGATCCTGAC 280
AATGAGGCTTATGAAATGCCTTCTGAGGTAGGAGTCCAAG 320
CTGAATCITTTCTAACAAGACAGTACCAAAAACCTGTCATT 360
GTCACATTTCTCTTTTCATTAGTGCTTAGTGAGAATCATT 400

410 420 430 440

GCTCTCTACATGCTCATTACGTGGACAACCTTGCAAGTTAA 440
GAATAGTTTTTACATTTTTTAAAGGTCCTTAAAAAAAAG 480
AGGAGGAGGAAGATGAAGAAGAGGAAGAAAGGATGTAAAA 520
GAAATCATATGTAGTCCACATAGCTTAATATACNTACTAC 560
TTGACCCTTTACAGGAAAAGCTTTACTAACCCTGCATTA 600

610 620 630 640

GAGAATATATTTTTTTTGCAAAAACATTGATTGTAAATTTT 640
AGTGTAAGTGGGGAGCCATTTCTATCTCATTGGCTGTC 680
CAGTGCTGATGCGTAATTGAACTTATACTAACAGTGTGT 720
GCTGTCT 727



10 20 30 40
TTTTGATTTTCTAATATTAGGAAGGGTATCAAGACTACG 40
AACCTGAAGCCTAAGAAATATCTTTGCTCCCAGTTTCTTG 80
AGATCTGCTGACAGATGTTCCATCCTGTACAAGTGCTCAG 120
TTCCAATGTGCCCAAGTCATGACATTTCTCAAAGTTTTTAC 160
AGTGTATCTCGAAGTCTTCCATCAGCAGTGATTGAAGCAT 200

210 220 230 240
CTGTACCTGCCCCCACTCAGCATTTCGGTGCTTCCCTTTC 240
ACTGAAGTGAATACATGGTAGCAGGGTCTTTGTGTGCTGT 280
GGATTTTGTGGCTTCAATCTACGATGTTAAAACAAATTAA 320
AAACACCTAAGTGACTACCACTTATTTCTAAATCCTCACT 360
ATTTTTTTGTGCTGTTGTTTTCAGAAAGTTGTTAGTGATTG 400

410 420 430 440
CTATCATATATTATNAGATTTTTAGGTGTCTTTTAATGAT 440
ACTGTCTAAGAATAATGACGTATTGTGAAATTTGTTAATA 480
TATATNATACTTAAAAATATGTGAGCATGAACTATGCAC 520
CTATAATACTAAATATGAAATTTTACCATTTTGCATGTG 560
TTTTATTCACTTGTGTTTGTATATNAATGGTGAGAATTAA 600

610 620 630 640
AATAAACGTTATCTCATTGCAAAAATATTTTATTTTAT 640
CCCATCTCACTTTAATAATAAAAATCATGCTTATAAGCAA 680
CATGAATTAAGAACTGACACAAAGGACAAAATATAAAGT 720
TATTAATAGCCATTTGAAGAAGGAGGAATTTTAGAAGAGG 760
TAGAGAAAATGGAACATTAACCCTACACTCGGAATTCCT 800

810 820 830 840
GAAGCAACACTGCCAGAAGTGTGTTTTGGTATGCACTGGT 840
TCCTTAAGTGGCTGTGATTAATTATTGAAAGTGGGGTGTT 880
GAAGACCCCACTACTATTGTAGAGTGGTCTATTTCTCCC 920
TTCAATCCTGTCAATGTTTGCTTTACGTATTTGGGGAAC 960
TGTGTTTGATGTGTATGTGTTTATAATTGTTATACATTT 1000

1010 1020 1030 1040
TTAATTGAGCCTTTTATTAACATATATTGTTATTTTGTG 1040
TCGAAATAATTTTTAGTTAAAATCTATTTGTCTGATAT 1080
TGGTGTGAATGCTGTACCTTTCTGACAATAAATAATATNC 1120
GACCATGAATAAAAAAAAAAAAAAGTGGGTTCCTCGGGA 1160
CTAAGCAGTGTAGAAGATGATTTTGACTACACCCTCCTTA 1200



Figure 11 cont.

alpha-SYN exon 7

1210 1220 1230 1240
GAGAGCCATAAGACACATTAGCACATATTAGCACATTCAA 1240
GGCTCTGAGAGAATGTGGTTAACTTTGTTTAACTCAGCAT 1280
TCCTCACTTTTTTTTTTTAATCATCAGAAATTCTCTCTCT 1320
CTCTCTCTTTTCTCTCGCTCTCTTTTTTTTTTTTTTTTT 1360
TTTTACAGGAAATGCCTTTAAACATCGTTGGGAACCTACCA 1400
1410 1420 1430 1440
GAGTCACCTTAAAGGGGAGNATCAATTCTCTAGGACTGGAT 1440
AAAAATTTTCATGGGCCTCCTTTAAAATGTTGCCCAAATAT 1480
ATGGAATTCTAGGGGTTTTTCNTAGGGGGAAGGGTTTTT 1520
TCTCTTTTCNGGGGAGGATCCTTTTAACNCCCCNGGGGGG 1560
NGCCCGGAAAATAAACTTGGNGGGGGGGNAAAACCTT 1596

